

MEZCLA GENICA EN UNA MUESTRA POBLACIONAL DE LA CIUDAD DE BUENOS AIRES

SERGIO A. AVENA^{1,2}, ALICIA S. GOICOECHEA^{1,2}, JORGE REY³, JEAN M. DUGOUJON⁴,
CRISTINA B. DEJEAN¹, FRANCISCO R. CARNESE¹

¹Sección Antropología Biológica, Instituto de Ciencias Antropológicas, Centro de Genética, Facultades de Filosofía y Letras y Ciencias Veterinarias, Universidad de Buenos Aires; ²CONICET; ³Servicio de Hemoterapia, Hospital de Clínicas de Buenos Aires; ⁴Centre d'Anthropologie, UMR 8555, Toulouse, France

Resumen Este estudio tiene como objetivo estimar la mezcla génica en la población de la Ciudad de Buenos Aires, a partir de muestras de dadores de sangre provenientes de un centro público de salud (Hospital de Clínicas). Los estudios se realizaron sobre 218 personas no emparentadas que donaron su sangre durante el año 2002. Se analizaron 8 sistemas genéticos eritrocitarios y los alotipos GM/KM. Se realizó una encuesta con la finalidad de obtener información sobre lugar de nacimiento, residencia actual y datos genealógicos de los dadores. Las frecuencias génicas se determinaron empleando métodos de máxima verosimilitud. Para calcular la mezcla génica se aplicó el programa ADMIX (trihíbrido). Se registró un 15.8% de aporte indígena (AI) y 4.3% de africano (AA). Estos datos se compararon con un estudio previo realizado en un centro privado (Hospital Italiano de Buenos Aires), no observándose diferencias significativas salvo en el sistema Km. Los resultados obtenidos se corresponden con la información histórica y demográfica de la ciudad de Buenos Aires.

Palabras clave: mezcla génica, marcadores genéticos, migraciones, hospital público y privado

Abstract *Gene mixture in a population sample from Buenos Aires City.* The aim of this study is to estimate the gene admixture in the population of Buenos Aires City from samples of blood donors, which come from a public health centre (Hospital de Clínicas). These studies were performed on 218 unrelated people, who donated blood during the year 2002. Eight erythrocyte genetic systems and GM/KM allotypes were analysed. A survey to obtain information about place of birth, present residence and genealogical data of the donors was performed. The gene frequencies were determined using a method of maximum likelihood. The genetic admixture was calculated through the ADMIX program (trihíbrido). The Amerindian and African contributions were 15.8% and 4.3% respectively. These data were compared with those obtained in a previous study performed in a private centre (Hospital Italiano de Buenos Aires) and significant differences were observed, except in the KM system. The results obtained are in concordance with the demographic and historic information of Buenos Aires City.

Key words: gene mixture, genetic markers, migrations, public and private hospital